**Sequence: pMDLchp6 Range: 1 to 8895**

 >"PspOMI\_(14)"

 |

 10 | 20 30 40 50 60 70

 GGATCCCCTGAGGGGGCCCCCATGGGCTAGAGGATCCGGCCTCGGCCTCTGCATAAATAAAAAAAATTAG

 CCTAGGGGACTCCCCCGGGGGTACCCGATCTCCTAGGCCGGAGCCGGAGACGTATTTATTTTTTTTAATC

 80 90 100 110 120 130 140

 TCAGCCATGAGCTTGGCCCATTGCATACGTTGTATCCATATCATAATATGTACATTTATATTGGCTCATG

 AGTCGGTACTCGAACCGGGTAACGTATGCAACATAGGTATAGTATTATACATGTAAATATAACCGAGTAC

 150 160 170 180 190 200 210

 TCCAACATTACCGCCATGTTGACATTGATTATTGACTAGTTATTAATAGTAATCAATTACGGGGTCATTA

 AGGTTGTAATGGCGGTACAACTGTAACTAATAACTGATCAATAATTATCATTAGTTAATGCCCCAGTAAT

 220 230 240 250 260 270 280

 GTTCATAGCCCATATATGGAGTTCCGCGTTACATAACTTACGGTAAATGGCCCGCCTGGCTGACCGCCCA

 CAAGTATCGGGTATATACCTCAAGGCGCAATGTATTGAATGCCATTTACCGGGCGGACCGACTGGCGGGT

 290 300 310 320 330 340 350

 ACGACCCCCGCCCATTGACGTCAATAATGACGTATGTTCCCATAGTAACGCCAATAGGGACTTTCCATTG

 TGCTGGGGGCGGGTAACTGCAGTTATTACTGCATACAAGGGTATCATTGCGGTTATCCCTGAAAGGTAAC

 360 370 380 390 400 410 420

 ACGTCAATGGGTGGAGTATTTACGGTAAACTGCCCACTTGGCAGTACATCAAGTGTATCATATGCCAAGT

 TGCAGTTACCCACCTCATAAATGCCATTTGACGGGTGAACCGTCATGTAGTTCACATAGTATACGGTTCA

 430 440 450 460 470 480 490

 ACGCCCCCTATTGACGTCAATGACGGTAAATGGCCCGCCTGGCATTATGCCCAGTACATGACCTTATGGG

 TGCGGGGGATAACTGCAGTTACTGCCATTTACCGGGCGGACCGTAATACGGGTCATGTACTGGAATACCC

 >"SnaB1(514)"

 |

 500 510 | 520 530 540 550 560

 ACTTTCCTACTTGGCAGTACATCTACGTATTAGTCATCGCTATTACCATGGTGATGCGGTTTTGGCAGTA

 TGAAAGGATGAACCGTCATGTAGATGCATAATCAGTAGCGATAATGGTACCACTACGCCAAAACCGTCAT

 570 580 590 600 610 620 630

 CATCAATGGGCGTGGATAGCGGTTTGACTCACGGGGATTTCCAAGTCTCCACCCCATTGACGTCAATGGG

 GTAGTTACCCGCACCTATCGCCAAACTGAGTGCCCCTAAAGGTTCAGAGGTGGGGTAACTGCAGTTACCC

 640 650 660 670 680 690 700

 AGTTTGTTTTGGCACCAAAATCAACGGGACTTTCCAAAATGTCGTAACAACTCCGCCCCATTGACGCAAA

 TCAAACAAAACCGTGGTTTTAGTTGCCCTGAAAGGTTTTACAGCATTGTTGAGGCGGGGTAACTGCGTTT

 710 720 730 740 750 760 770

 TGGGCGGTAGGCGTGTACGGTGGGAGGTCTATATAAGCAGAGCTCGTTTAGTGAACCGTCAGATCGCCTG

 ACCCGCCATCCGCACATGCCACCCTCCAGATATATTCGTCTCGAGCAAATCACTTGGCAGTCTAGCGGAC

 780 790 800 810 820 830 840

 GAGACGCCATCCACGCTGTTTTGACCTCCATAGAAGACACCGGGACCGATCCAGCCTCCCCTCGAAGCTT

 CTCTGCGGTAGGTGCGACAAAACTGGAGGTATCTTCTGTGGCCCTGGCTAGGTCGGAGGGGAGCTTCGAA

 850 860 870 880 890 900 910

 ACATGTGGTACCGAGCTCGGATCCTGAGAACTTCAGGGTGAGTCTATGGGACCCTTGATGTTTTCTTTCC

 TGTACACCATGGCTCGAGCCTAGGACTCTTGAAGTCCCACTCAGATACCCTGGGAACTACAAAAGAAAGG

 920 930 940 950 960 970 980

 CCTTCTTTTCTATGGTTAAGTTCATGTCATAGGAAGGGGAGAAGTAACAGGGTACACATATTGACCAAAT

 GGAAGAAAAGATACCAATTCAAGTACAGTATCCTTCCCCTCTTCATTGTCCCATGTGTATAACTGGTTTA

 990 1000 1010 1020 1030 1040 1050

 CAGGGTAATTTTGCATTTGTAATTTTAAAAAATGCTTTCTTCTTTTAATATACTTTTTTGTTTATCTTAT

 GTCCCATTAAAACGTAAACATTAAAATTTTTTACGAAAGAAGAAAATTATATGAAAAAACAAATAGAATA

 1060 1070 1080 1090 1100 1110 1120

 TTCTAATACTTTCCCTAATCTCTTTCTTTCAGGGCAATAATGATACAATGTATCATGCCTCTTTGCACCA

 AAGATTATGAAAGGGATTAGAGAAAGAAAGTCCCGTTATTACTATGTTACATAGTACGGAGAAACGTGGT

 1130 1140 1150 1160 1170 1180 1190

 TTCTAAAGAATAACAGTGATAATTTCTGGGTTAAGGCAATAGCAATATTTCTGCATATAAATATTTCTGC

 AAGATTTCTTATTGTCACTATTAAAGACCCAATTCCGTTATCGTTATAAAGACGTATATTTATAAAGACG

 1200 1210 1220 1230 1240 1250 1260

 ATATAAATTGTAACTGATGTAAGAGGTTTCATATTGCTAATAGCAGCTACAATCCAGCTACCATTCTGCT

 TATATTTAACATTGACTACATTCTCCAAAGTATAACGATTATCGTCGATGTTAGGTCGATGGTAAGACGA

 1270 1280 1290 1300 1310 1320 1330

 TTTATTTTATGGTTGGGATAAGGCTGGATTATTCTGAGTCCAAGCTAGGCCCTTTTGCTAATCATGTTCA

 AAATAAAATACCAACCCTATTCCGACCTAATAAGACTCAGGTTCGATCCGGGAAAACGATTAGTACAAGT

 1340 1350 1360 1370 1380 1390 1400

 TACCTCTTATCTTCCTCCCACAGCTCCTGGGCAACGTGCTGGTCTGTGTGCTGGCCCATCACTTTGGCAA

 ATGGAGAATAGAAGGAGGGTGTCGAGGACCCGTTGCACGACCAGACACACGACCGGGTAGTGAAACCGTT

 >"PmlI\_(1405)"

 |

 | 1410 1420 1430 1440 1450 1460 1470

 AGCACGTGAGATCTGAATTCGAGATCTGCCGCCGCCATGGGTGCGAGAGCGTCAGTATTAAGCGGGGGAG

 TCGTGCACTCTAGACTTAAGCTCTAGACGGCGGCGGTACCCACGCTCTCGCAGTCATAATTCGCCCCCTC

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_"MA(1437:1833)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 1480 1490 1500 1510 1520 1530 1540

 AATTAGATCGATGGGAAAAAATTCGGTTAAGGCCAGGGGGAAAGAAAAAATATAAATTAAAACATATAGT

 TTAATCTAGCTACCCTTTTTTAAGCCAATTCCGGTCCCCCTTTCTTTTTTATATTTAATTTTGTATATCA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"MA(1437:1833)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 1550 1560 1570 1580 1590 1600 1610

 ATGGGCAAGCAGGGAGCTAGAACGATTCGCAGTTAATCCTGGCCTGTTAGAAACATCAGAAGGCTGTAGA

 TACCCGTTCGTCCCTCGATCTTGCTAAGCGTCAATTAGGACCGGACAATCTTTGTAGTCTTCCGACATCT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"MA(1437:1833)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 1620 1630 1640 1650 1660 1670 1680

 CAAATACTGGGACAGCTACAACCATCCCTTCAGACAGGATCAGAAGAACTTAGATCATTATATAATACAG

 GTTTATGACCCTGTCGATGTTGGTAGGGAAGTCTGTCCTAGTCTTCTTGAATCTAGTAATATATTATGTC

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"MA(1437:1833)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 1690 1700 1710 1720 1730 1740 1750

 TAGCAACCCTCTATTGTGTGCATCAAAGGATAGAGATAAAAGACACCAAGGAAGCTTTAGACAAGATAGA

 ATCGTTGGGAGATAACACACGTAGTTTCCTATCTCTATTTTCTGTGGTTCCTTCGAAATCTGTTCTATCT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"MA(1437:1833)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 1760 1770 1780 1790 1800 1810 1820

 GGAAGAGCAAAACAAAAGTAAGAAAAAAGCACAGCAAGCAGCAGCTGACACAGGACACAGCAATCAGGTC

 CCTTCTCGTTTTGTTTTCATTCTTTTTTCGTGTCGTTCGTCGTCGACTGTGTCCTGTGTCGTTAGTCCAG

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"MA(1437:1833)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 1830 1840 1850 1860 1870 1880 1890

 AGCCAAAATTACCCTATAGTGCAGAACATCCAGGGGCAAATGGTACATCAGGCCATATCACCTAGAACTT

 TCGGTTTTAATGGGATATCACGTCTTGTAGGTCCCCGTTTACCATGTAGTCCGGTATAGTGGATCTTGAA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 \_>

 1900 1910 1920 1930 1940 1950 1960

 TAAATGCATGGGTAAAAGTAGTAGAAGAGAAGGCTTTCAGCCCAGAAGTGATACCCATGTTTTCAGCATT

 ATTTACGTACCCATTTTCATCATCTTCTCTTCCGAAAGTCGGGTCTTCACTATGGGTACAAAAGTCGTAA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CA(1833:2532)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 1970 1980 1990 2000 2010 2020 2030

 ATCAGAAGGAGCCACCCCACAAGATTTAAACACCATGCTAAACACAGTGGGGGGACATCAAGCAGCCATG

 TAGTCTTCCTCGGTGGGGTGTTCTAAATTTGTGGTACGATTTGTGTCACCCCCCTGTAGTTCGTCGGTAC

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CA(1833:2532)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2040 2050 2060 2070 2080 2090 2100

 CAAATGTTAAAAGAGACCATCAATGAGGAAGCTGCAGAATGGGATAGAGTGCATCCAGTGCATGCAGGGC

 GTTTACAATTTTCTCTGGTAGTTACTCCTTCGACGTCTTACCCTATCTCACGTAGGTCACGTACGTCCCG

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CA(1833:2532)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2110 2120 2130 2140 2150 2160 2170

 CTATTGCACCAGGCCAGATGAGAGAACCAAGGGGAAGTGACATAGCAGGAACTACTAGTACTAGTACCCT

 GATAACGTGGTCCGGTCTACTCTCTTGGTTCCCCTTCACTGTATCGTCCTTGATGATCATGATCATGGGA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CA(1833:2532)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2180 2190 2200 2210 2220 2230 2240

 TCAGGAACAAATAGGATGGATGACACATAATCCACCTATCCCAGTAGGAGAAATCTATAAAAGATGGATA

 AGTCCTTGTTTATCCTACCTACTGTGTATTAGGTGGATAGGGTCATCCTCTTTAGATATTTTCTACCTAT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CA(1833:2532)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2250 2260 2270 2280 2290 2300 2310

 ATCCTGGGATTAAATAAAATAGTAAGAATGTATAGCCCTACCAGCATTCTGGACATAAGACAAGGACCAA

 TAGGACCCTAATTTATTTTATCATTCTTACATATCGGGATGGTCGTAAGACCTGTATTCTGTTCCTGGTT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CA(1833:2532)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2320 2330 2340 2350 2360 2370 2380

 AGGAACCCTTTAGAGACTATGTAGACCGATTCTATAAAACTCTAAGAGCCGAGCAAGCTTCACAAGAGGT

 TCCTTGGGAAATCTCTGATACATCTGGCTAAGATATTTTGAGATTCTCGGCTCGTTCGAAGTGTTCTCCA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CA(1833:2532)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2390 2400 2410 2420 2430 2440 2450

 AAAAAATTGGATGACAGAAACCTTGTTGGTCCAAAATGCGAACCCAGATTGTAAGACTATTTTAAAAGCA

 TTTTTTAACCTACTGTCTTTGGAACAACCAGGTTTTACGCTTGGGTCTAACATTCTGATAAAATTTTCGT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CA(1833:2532)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2460 2470 2480 2490 2500 2510 2520

 TTGGGACCAGGAGCGACACTAGAAGAAATGATGACAGCATGTCAGGGAGTGGGGGGACCCGGCCATAAAG

 AACCCTGGTCCTCGCTGTGATCTTCTTTACTACTGTCGTACAGTCCCTCACCCCCCTGGGCCGGTATTTC

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CA(1833:2532)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2530 2540 2550 2560 2570 2580 2590

 CAAGAGTTTTGGCTGAAGCAATGAGCCAAGTAACAAATCCAGCTACCATAATGATACAGAAAGGCAATTT

 GTTCTCAAAACCGACTTCGTTACTCGGTTCATTGTTTAGGTCGATGGTATTACTATGTCTTTCCGTTAAA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 \_\_\_"P7(2574:2\_\_\_\_>

 >"MfeI\_(2621)" >"PspOMI\_(2659)"

 | |

 2600 2610 2620| 2630 2640 2650 2660

 TAGGAACCAAAGAAAGACTGTTAAGTGTTTCAATTGTGGCAAAGAAGGGCACATAGCCAAAAATTGCAGG

 ATCCTTGGTTTCTTTCTGACAATTCACAAAGTTAACACCGTTTCTTCCCGTGTATCGGTTTTTAACGTCC

 \_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE \_\_\_\_>

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"P7(2574:2739)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2670 2680 2690 2700 2710 2720 2730

 GCCCCTAGGAAAAAGGGCTGTTGGAAATGTGGAAAGGAAGGACACCAAATGAAAGATTGTACTGAGAGAC

 CGGGGATCCTTTTTCCCGACAACCTTTACACCTTTCCTTCCTGTGGTTTACTTTCTAACATGACTCTCTG

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"P7(2574:2739)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2740 2750 2760 2770 2780 2790 2800

 AGGCTAATTTTTTAGGGAAGATCTGGCCTTCCCACAAGGGAAGGCCAGGGAATTTTCTTCAGAGCAGACC

 TCCGATTAAAAAATCCCTTCTAGACCGGAAGGGTGTTCCCTTCCGGTCCCTTAAAAGAAGTCTCGTCTGG

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2810 2820 2830 2840 2850 2860 2870

 AGAGCCAACAGCCCCACCAGAAGACCCAGCTGTGGATCTGCTAAAGAACTACACTCCCTCTCAGAGGCAG

 TCTCGGTTGTCGGGGTGGTCTTCTGGGTCGACACCTAGACGATTTCTTGATGTGAGGGAGAGTCTCCGTC

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_ \_\_\_\_>

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CHP6 (2787-2945)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2880 2890 2900 2910 2920 2930 2940

 GAGCCGATAGACAAGGAACTGTATCCTTTAGCTTCCCTCAGATCACTCTTTGGCAGCGACCCCTCGTCAC

 CTCGGCTATCTGTTCCTTGACATAGGAAATCGAAGGGAGTCTAGTGAGAAACCGTCGCTGGGGAGCAGTG

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"CHP6 (2787-2945)"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 2950 2960 2970 2980 2990 3000 3010

 AATAAAGATAGGGGGGCAATTAAAGGAAGCTCTATTAGATACAGGAGCAGATGATACAGTATTAGAAGAA

 TTATTTCTATCCCCCCGTTAATTTCCTTCGAGATAATCTATGTCCTCGTCTACTATGTCATAATCTTCTT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 \_\_\_\_\_>

 3020 3030 3040 3050 3060 3070 3080

 ATGAATTTGCCAGGAAGATGGAAACCAAAAATGATAGGGGGAATTGGAGGTTTTATCAAAGTAGGACAGT

 TACTTAAACGGTCCTTCTACCTTTGGTTTTTACTATCCCCCTTAACCTCCAAAATAGTTTCATCCTGTCA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3090 3100 3110 3120 3130 3140 3150

 ATGATCAGATACTCATAGAAATCTGCGGACATAAAGCTATAGGTACAGTATTAGTAGGACCTACACCTGT

 TACTAGTCTATGAGTATCTTTAGACGCCTGTATTTCGATATCCATGTCATAATCATCCTGGATGTGGACA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3160 3170 3180 3190 3200 3210 3220

 CAACATAATTGGAAGAAATCTGTTGACTCAGATTGGCTGCACTTTAAATTTTCCCATTAGTCCTATTGAG

 GTTGTATTAACCTTCTTTAGACAACTGAGTCTAACCGACGTGAAATTTAAAAGGGTAATCAGGATAACTC

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3230 3240 3250 3260 3270 3280 3290

 ACTGTACCAGTAAAATTAAAGCCAGGAATGGATGGCCCAAAAGTTAAACAATGGCCATTGACAGAAGAAA

 TGACATGGTCATTTTAATTTCGGTCCTTACCTACCGGGTTTTCAATTTGTTACCGGTAACTGTCTTCTTT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3300 3310 3320 3330 3340 3350 3360

 AAATAAAAGCATTAGTAGAAATTTGTACAGAAATGGAAAAGGAAGGAAAAATTTCAAAAATTGGGCCTGA

 TTTATTTTCGTAATCATCTTTAAACATGTCTTTACCTTTTCCTTCCTTTTTAAAGTTTTTAACCCGGACT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3370 3380 3390 3400 3410 3420 3430

 AAATCCATACAATACTCCAGTATTTGCCATAAAGAAAAAAGACAGTACTAAATGGAGAAAATTAGTAGAT

 TTTAGGTATGTTATGAGGTCATAAACGGTATTTCTTTTTTCTGTCATGATTTACCTCTTTTAATCATCTA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3440 3450 3460 3470 3480 3490 3500

 TTCAGAGAACTTAATAAGAGAACTCAAGATTTCTGGGAAGTTCAATTAGGAATACCACATCCTGCAGGGT

 AAGTCTCTTGAATTATTCTCTTGAGTTCTAAAGACCCTTCAAGTTAATCCTTATGGTGTAGGACGTCCCA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3510 3520 3530 3540 3550 3560 3570

 TAAAACAGAAAAAATCAGTAACAGTACTGGATGTGGGCGATGCATATTTTTCAGTTCCCTTAGATAAAGA

 ATTTTGTCTTTTTTAGTCATTGTCATGACCTACACCCGCTACGTATAAAAAGTCAAGGGAATCTATTTCT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3580 3590 3600 3610 3620 3630 3640

 CTTCAGGAAGTATACTGCATTTACCATACCTAGTATAAACAATGAGACACCAGGGATTAGATATCAGTAC

 GAAGTCCTTCATATGACGTAAATGGTATGGATCATATTTGTTACTCTGTGGTCCCTAATCTATAGTCATG

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3650 3660 3670 3680 3690 3700 3710

 AATGTGCTTCCACAGGGATGGAAAGGATCACCAGCAATATTCCAGTGTAGCATGACAAAAATCTTAGAGC

 TTACACGAAGGTGTCCCTACCTTTCCTAGTGGTCGTTATAAGGTCACATCGTACTGTTTTTAGAATCTCG

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3720 3730 3740 3750 3760 3770 3780

 CTTTTAGAAAACAAAATCCAGACATAGTCATCTATCAATACATGGATGATTTGTATGTAGGATCTGACTT

 GAAAATCTTTTGTTTTAGGTCTGTATCAGTAGATAGTTATGTACCTACTAAACATACATCCTAGACTGAA

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3790 3800 3810 3820 3830 3840 3850

 AGAAATAGGGCAGCATAGAACAAAAATAGAGGAACTGAGACAACATCTGTTGAGGTGGGGATTTACCACA

 TCTTTATCCCGTCGTATCTTGTTTTTATCTCCTTGACTCTGTTGTAGACAACTCCACCCCTAAATGGTGT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3860 3870 3880 3890 3900 3910 3920

 CCAGACAAAAAACATCAGAAAGAACCTCCATTCCTTTGGATGGGTTATGAACTCCATCCTGATAAATGGA

 GGTCTGTTTTTTGTAGTCTTTCTTGGAGGTAAGGAAACCTACCCAATACTTGAGGTAGGACTATTTACCT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 3930 3940 3950 3960 3970 3980 3990

 CAGTACAGCCTATAGTGCTGCCAGAAAAGGACAGCTGGACTGTCAATGACATACAGAAATTAGTGGGAAA

 GTCATGTCGGATATCACGACGGTCTTTTCCTGTCGACCTGACAGTTACTGTATGTCTTTAATCACCCTTT

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 4000 4010 4020 4030 4040 4050 4060

 ATTGAATTGGGCAAGTCAGATTTATGCAGGGATTAAAGTAAGGCAATTATGTAAACTTCTTAGGGGAACC

 TAACTTAACCCGTTCAGTCTAAATACGTCCCTAATTTCATTCCGTTAATACATTTGAAGAATCCCCTTGG

 \_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_>

 4070 4080 4090 4100 4110 4120 4130

 AAAGCACTAACAGAAGTAGTACCACTAACAGAAGAAGCAGAGCTAGAACTGGCAGAAAACAGGGAGATTC

 TTTCGTGATTGTCTTCATCATGGTGATTGTCTTCTTCGTCTCGATCTTGACCGTCTTTTGTCCCTCTAAG

 \_\_\_"1968 TO 3485 OF PNL4-3 SEQUENCE [SPLIT]"\_\_\_\_\_>

 4140 4150 4160 4170 4180 4190 4200

 TAAAAGAACCGGTACATGGAGTGTATTATGACCCATCAAAAGACTTAATAGCAGAAATACAGAAGCAGGG

 ATTTTCTTGGCCATGTACCTCACATAATACTGGGTAGTTTTCTGAATTATCGTCTTTATGTCTTCGTCCC

 4210 4220 4230 4240 4250 4260 4270

 GCAAGGCCAATGGACATATCAAATTTATCAAGAGCCATTTAAAAATCTGAAAACAGGAAAATATGCAAGA

 CGTTCCGGTTACCTGTATAGTTTAAATAGTTCTCGGTAAATTTTTAGACTTTTGTCCTTTTATACGTTCT

 4280 4290 4300 4310 4320 4330 4340

 ATGAAGGGTGCCCACACTAATGATGTGAAACAATTAACAGAGGCAGTACAAAAAATAGCCACAGAAAGCA

 TACTTCCCACGGGTGTGATTACTACACTTTGTTAATTGTCTCCGTCATGTTTTTTATCGGTGTCTTTCGT

 4350 4360 4370 4380 4390 4400 4410

 TAGTAATATGGGGAAAGACTCCTAAATTTAAATTACCCATACAAAAGGAAACATGGGAAGCATGGTGGAC

 ATCATTATACCCCTTTCTGAGGATTTAAATTTAATGGGTATGTTTTCCTTTGTACCCTTCGTACCACCTG

 4420 4430 4440 4450 4460 4470 4480

 AGAGTATTGGCAAGCCACCTGGATTCCTGAGTGGGAGTTTGTCAATACCCCTCCCTTAGTGAAGTTATGG

 TCTCATAACCGTTCGGTGGACCTAAGGACTCACCCTCAAACAGTTATGGGGAGGGAATCACTTCAATACC

 4490 4500 4510 4520 4530 4540 4550

 TACCAGTTAGAGAAAGAACCCATAATAGGAGCAGAAACTTTCTATGTAGATGGGGCAGCCAATAGGGAAA

 ATGGTCAATCTCTTTCTTGGGTATTATCCTCGTCTTTGAAAGATACATCTACCCCGTCGGTTATCCCTTT

 4560 4570 4580 4590 4600 4610 4620

 CTAAATTAGGAAAAGCAGGATATGTAACTGACAGAGGAAGACAAAAAGTTGTCCCCCTAACGGACACAAC

 GATTTAATCCTTTTCGTCCTATACATTGACTGTCTCCTTCTGTTTTTCAACAGGGGGATTGCCTGTGTTG

 4630 4640 4650 4660 4670 4680 4690

 AAATCAGAAGACTGAGTTACAAGCAATTCATCTAGCTTTGCAGGATTCGGGATTAGAAGTAAACATAGTG

 TTTAGTCTTCTGACTCAATGTTCGTTAAGTAGATCGAAACGTCCTAAGCCCTAATCTTCATTTGTATCAC

 4700 4710 4720 4730 4740 4750 4760

 ACAGACTCACAATATGCATTGGGAATCATTCAAGCACAACCAGATAAGAGTGAATCAGAGTTAGTCAGTC

 TGTCTGAGTGTTATACGTAACCCTTAGTAAGTTCGTGTTGGTCTATTCTCACTTAGTCTCAATCAGTCAG

 4770 4780 4790 4800 4810 4820 4830

 AAATAATAGAGCAGTTAATAAAAAAGGAAAAAGTCTACCTGGCATGGGTACCAGCACACAAAGGAATTGG

 TTTATTATCTCGTCAATTATTTTTTCCTTTTTCAGATGGACCGTACCCATGGTCGTGTGTTTCCTTAACC

 4840 4850 4860 4870 4880 4890 4900

 AGGAAATGAACAAGTAGATGGGTTGGTCAGTGCTGGAATCAGGAAAGTACTATTTTTAGATGGAATAGAT

 TCCTTTACTTGTTCATCTACCCAACCAGTCACGACCTTAGTCCTTTCATGATAAAAATCTACCTTATCTA

 4910 4920 4930 4940 4950 4960 4970

 AAGGCCCAAGAAGAACATGAGAAATATCACAGTAATTGGAGAGCAATGGCTAGTGATTTTAACCTACCAC

 TTCCGGGTTCTTCTTGTACTCTTTATAGTGTCATTAACCTCTCGTTACCGATCACTAAAATTGGATGGTG

 4980 4990 5000 5010 5020 5030 5040

 CTGTAGTAGCAAAAGAAATAGTAGCCAGCTGTGATAAATGTCAGCTAAAAGGGGAAGCCATGCATGGACA

 GACATCATCGTTTTCTTTATCATCGGTCGACACTATTTACAGTCGATTTTCCCCTTCGGTACGTACCTGT

 5050 5060 5070 5080 5090 5100 5110

 AGTAGACTGTAGCCCAGGAATATGGCAGCTAGATTGTACACATTTAGAAGGAAAAGTTATCTTGGTAGCA

 TCATCTGACATCGGGTCCTTATACCGTCGATCTAACATGTGTAAATCTTCCTTTTCAATAGAACCATCGT

 5120 5130 5140 5150 5160 5170 5180

 GTTCATGTAGCCAGTGGATATATAGAAGCAGAAGTAATTCCAGCAGAGACAGGGCAAGAAACAGCATACT

 CAAGTACATCGGTCACCTATATATCTTCGTCTTCATTAAGGTCGTCTCTGTCCCGTTCTTTGTCGTATGA

 5190 5200 5210 5220 5230 5240 5250

 TCCTCTTAAAATTAGCAGGAAGATGGCCAGTAAAAACAGTACATACAGACAATGGCAGCAATTTCACCAG

 AGGAGAATTTTAATCGTCCTTCTACCGGTCATTTTTGTCATGTATGTCTGTTACCGTCGTTAAAGTGGTC

 5260 5270 5280 5290 5300 5310 5320

 TACTACAGTTAAGGCCGCCTGTTGGTGGGCGGGGATCAAGCAGGAATTTGGCATTCCCTACAATCCCCAA

 ATGATGTCAATTCCGGCGGACAACCACCCGCCCCTAGTTCGTCCTTAAACCGTAAGGGATGTTAGGGGTT

 5330 5340 5350 5360 5370 5380 5390

 AGTCAAGGAGTAATAGAATCTATGAATAAAGAATTAAAGAAAATTATAGGACAGGTAAGAGATCAGGCTG

 TCAGTTCCTCATTATCTTAGATACTTATTTCTTAATTTCTTTTAATATCCTGTCCATTCTCTAGTCCGAC

 5400 5410 5420 5430 5440 5450 5460

 AACATCTTAAGACAGCAGTACAAATGGCAGTATTCATCCACAATTTTAAAAGAAAAGGGGGGATTGGGGG

 TTGTAGAATTCTGTCGTCATGTTTACCGTCATAAGTAGGTGTTAAAATTTTCTTTTCCCCCCTAACCCCC

 5470 5480 5490 5500 5510 5520 5530

 GTACAGTGCAGGGGAAAGAATAGTAGACATAATAGCAACAGACATACAAACTAAAGAATTACAAAAACAA

 CATGTCACGTCCCCTTTCTTATCATCTGTATTATCGTTGTCTGTATGTTTGATTTCTTAATGTTTTTGTT

 5540 5550 5560 5570 5580 5590 5600

 ATTACAAAAATTCAAAATTTTCGGGTTTATTACAGGGACAGCAGAGATCCAGTTTGGAAAGGACCAGCAA

 TAATGTTTTTAAGTTTTAAAAGCCCAAATAATGTCCCTGTCGTCTCTAGGTCAAACCTTTCCTGGTCGTT

 5610 5620 5630 5640 5650 5660 5670

 AGCTCCTCTGGAAAGGTGAAGGGGCAGTAGTAATACAAGATAATAGTGACATAAAAGTAGTGCCAAGAAG

 TCGAGGAGACCTTTCCACTTCCCCGTCATCATTATGTTCTATTATCACTGTATTTTCATCACGGTTCTTC

 5680 5690 5700 5710 5720 5730 5740

 AAAAGCAAAGATCATCAGGGATTATGGAAAACAGATGGCAGGTGATGATTGTGTGGCAAGTAGACAGGAT

 TTTTCGTTTCTAGTAGTCCCTAATACCTTTTGTCTACCGTCCACTACTAACACACCGTTCATCTGTCCTA

 5750 5760 5770 5780 5790 5800 5810

 GAGGATTAACACATGGAATTCCGGAGCGGCCGCAGGAGCTTTGTTCCTTGGGTTCTTGGGAGCAGCAGGA

 CTCCTAATTGTGTACCTTAAGGCCTCGCCGGCGTCCTCGAAACAAGGAACCCAAGAACCCTCGTCGTCCT

 5820 5830 5840 5850 5860 5870 5880

 AGCACTATGGGCGCAGCCTCAATGACGCTGACGGTACAGGCCAGACAATTATTGTCTGGTATAGTGCAGC

 TCGTGATACCCGCGTCGGAGTTACTGCGACTGCCATGTCCGGTCTGTTAATAACAGACCATATCACGTCG

 5890 5900 5910 5920 5930 5940 5950

 AGCAGAACAATTTGCTGAGGGCTATTGAGGCGCAACAGCATCTGTTGCAACTCACAGTCTGGGGCATCAA

 TCGTCTTGTTAAACGACTCCCGATAACTCCGCGTTGTCGTAGACAACGTTGAGTGTCAGACCCCGTAGTT

 5960 5970 5980 5990 6000 6010 6020

 GCAGCTCCAGGCAAGAATCCTGGCTGTGGAAAGATACCTAAAGGATCAACAGCTCCTGGGGATTTGGGGT

 CGTCGAGGTCCGTTCTTAGGACCGACACCTTTCTATGGATTTCCTAGTTGTCGAGGACCCCTAAACCCCA

 6030 6040 6050 6060 6070 6080 6090

 TGCTCTGGAAAACTCATTTGCACCACTGCTGTGCCTTGGAATGCTAGTTGGAGTAATAAATCTCTGGAAC

 ACGAGACCTTTTGAGTAAACGTGGTGACGACACGGAACCTTACGATCAACCTCATTATTTAGAGACCTTG

 6100 6110 6120 6130 6140 6150 6160

 AGATTTGGAATCACACGACCTGGATGGAGTGGGACAGAGAAATTAACAATTACACAAGCTTCCGCGGAAT

 TCTAAACCTTAGTGTGCTGGACCTACCTCACCCTGTCTCTTTAATTGTTAATGTGTTCGAAGGCGCCTTA

 6170 6180 6190 6200 6210 6220 6230

 TCACCCCACCAGTGCAGGCTGCCTATCAGAAAGTGGTGGCTGGTGTGGCTAATGCCCTGGCCCACAAGTT

 AGTGGGGTGGTCACGTCCGACGGATAGTCTTTCACCACCGACCACACCGATTACGGGACCGGGTGTTCAA

 6240 6250 6260 6270 6280 6290 6300

 TCACTAAGCTCGCTTCCTTGCTGTCCAATTTCTATTAAAGGTTCCTTGGTTCCCTAAGTCCAACTACTAA

 AGTGATTCGAGCGAAGGAACGACAGGTTAAAGATAATTTCCAAGGAACCAAGGGATTCAGGTTGATGATT

 6310 6320 6330 6340 6350 6360 6370

 ACTGGGGGATATTATGAAGGGCCTTGAGCATCTGGATTCTGCCTAATAAAAAACATTTATTTTCATTGCA

 TGACCCCCTATAATACTTCCCGGAACTCGTAGACCTAAGACGGATTATTTTTTGTAAATAAAAGTAACGT

 6380 6390 6400 6410 6420 6430 6440

 ATGATGTATTTAAATTATTTCTGAATATTTTACTAAAAAGGGAATGTGGGAGGTCAGTGCATTTAAAACA

 TACTACATAAATTTAATAAAGACTTATAAAATGATTTTTCCCTTACACCCTCCAGTCACGTAAATTTTGT

 6450 6460 6470 6480 6490 6500 6510

 TAAAGAAATGAAGAGCTAGTTCAAACCTTGGGAAAATACACTATATCTTAAACTCCATGAAAGAAGGTGA

 ATTTCTTTACTTCTCGATCAAGTTTGGAACCCTTTTATGTGATATAGAATTTGAGGTACTTTCTTCCACT

 6520 6530 6540 6550 6560 6570 6580

 GGCTGCAAACAGCTAATGCACATTGGCAACAGCCCTGATGCCTATGCCTTATTCATCCCTCAGAAAAGGA

 CCGACGTTTGTCGATTACGTGTAACCGTTGTCGGGACTACGGATACGGAATAAGTAGGGAGTCTTTTCCT

 6590 6600 6610 6620 6630 6640 6650

 TTCAAGTAGAGGCTTGATTTGGAGGTTAAAGTTTGGCTATGCTGTATTTTACATTACTTATTGTTTTAGC

 AAGTTCATCTCCGAACTAAACCTCCAATTTCAAACCGATACGACATAAAATGTAATGAATAACAAAATCG

 6660 6670 6680 6690 6700 6710 6720

 TGTCCTCATGAATGTCTTTTCACTACCCATTTGCTTATCCTGCATCTCTCAGCCTTGACTCCACTCAGTT

 ACAGGAGTACTTACAGAAAAGTGATGGGTAAACGAATAGGACGTAGAGAGTCGGAACTGAGGTGAGTCAA

 6730 6740 6750 6760 6770 6780 6790

 CTCTTGCTTAGAGATACCACCTTTCCCCTGAAGTGTTCCTTCCATGTTTTACGGCGAGATGGTTTCTCCT

 GAGAACGAATCTCTATGGTGGAAAGGGGACTTCACAAGGAAGGTACAAAATGCCGCTCTACCAAAGAGGA

 6800 6810 6820 6830 6840 6850 6860

 CGCCTGGCCACTCAGCCTTAGTTGTCTCTGTTGTCTTATAGAGGTCTACTTGAAGAAGGAAAAACAGGGG

 GCGGACCGGTGAGTCGGAATCAACAGAGACAACAGAATATCTCCAGATGAACTTCTTCCTTTTTGTCCCC

 6870 6880 6890 6900 6910 6920 6930

 GCATGGTTTGACTGTCCTGTGAGCCCTTCTTCCCTGCCTCCCCCACTCACAGTGACCCGGAATCCCTCGA

 CGTACCAAACTGACAGGACACTCGGGAAGAAGGGACGGAGGGGGTGAGTGTCACTGGGCCTTAGGGAGCT

 6940 6950 6960 6970 6980 6990 7000

 CATGGCAGTCTAGCACTAGTGCGGCCGCAGATCTGCTTCCTCGCTCACTGACTCGCTGCGCTCGGTCGTT

 GTACCGTCAGATCGTGATCACGCCGGCGTCTAGACGAAGGAGCGAGTGACTGAGCGACGCGAGCCAGCAA

 7010 7020 7030 7040 7050 7060 7070

 CGGCTGCGGCGAGCGGTATCAGCTCACTCAAAGGCGGTAATACGGTTATCCACAGAATCAGGGGATAACG

 GCCGACGCCGCTCGCCATAGTCGAGTGAGTTTCCGCCATTATGCCAATAGGTGTCTTAGTCCCCTATTGC

 7080 7090 7100 7110 7120 7130 7140

 CAGGAAAGAACATGTGAGCAAAAGGCCAGCAAAAGGCCAGGAACCGTAAAAAGGCCGCGTTGCTGGCGTT

 GTCCTTTCTTGTACACTCGTTTTCCGGTCGTTTTCCGGTCCTTGGCATTTTTCCGGCGCAACGACCGCAA

 7150 7160 7170 7180 7190 7200 7210

 TTTCCATAGGCTCCGCCCCCCTGACGAGCATCACAAAAATCGACGCTCAAGTCAGAGGTGGCGAAACCCG

 AAAGGTATCCGAGGCGGGGGGACTGCTCGTAGTGTTTTTAGCTGCGAGTTCAGTCTCCACCGCTTTGGGC

 7220 7230 7240 7250 7260 7270 7280

 ACAGGACTATAAAGATACCAGGCGTTTCCCCCTGGAAGCTCCCTCGTGCGCTCTCCTGTTCCGACCCTGC

 TGTCCTGATATTTCTATGGTCCGCAAAGGGGGACCTTCGAGGGAGCACGCGAGAGGACAAGGCTGGGACG

 7290 7300 7310 7320 7330 7340 7350

 CGCTTACCGGATACCTGTCCGCCTTTCTCCCTTCGGGAAGCGTGGCGCTTTCTCAATGCTCACGCTGTAG

 GCGAATGGCCTATGGACAGGCGGAAAGAGGGAAGCCCTTCGCACCGCGAAAGAGTTACGAGTGCGACATC

 7360 7370 7380 7390 7400 7410 7420

 GTATCTCAGTTCGGTGTAGGTCGTTCGCTCCAAGCTGGGCTGTGTGCACGAACCCCCCGTTCAGCCCGAC

 CATAGAGTCAAGCCACATCCAGCAAGCGAGGTTCGACCCGACACACGTGCTTGGGGGGCAAGTCGGGCTG

 7430 7440 7450 7460 7470 7480 7490

 CGCTGCGCCTTATCCGGTAACTATCGTCTTGAGTCCAACCCGGTAAGACACGACTTATCGCCACTGGCAG

 GCGACGCGGAATAGGCCATTGATAGCAGAACTCAGGTTGGGCCATTCTGTGCTGAATAGCGGTGACCGTC

 7500 7510 7520 7530 7540 7550 7560

 CAGCCACTGGTAACAGGATTAGCAGAGCGAGGTATGTAGGCGGTGCTACAGAGTTCTTGAAGTGGTGGCC

 GTCGGTGACCATTGTCCTAATCGTCTCGCTCCATACATCCGCCACGATGTCTCAAGAACTTCACCACCGG

 7570 7580 7590 7600 7610 7620 7630

 TAACTACGGCTACACTAGAAGGACAGTATTTGGTATCTGCGCTCTGCTGAAGCCAGTTACCTTCGGAAAA

 ATTGATGCCGATGTGATCTTCCTGTCATAAACCATAGACGCGAGACGACTTCGGTCAATGGAAGCCTTTT

 7640 7650 7660 7670 7680 7690 7700

 AGAGTTGGTAGCTCTTGATCCGGCAAACAAACCACCGCTGGTAGCGGTGGTTTTTTTGTTTGCAAGCAGC

 TCTCAACCATCGAGAACTAGGCCGTTTGTTTGGTGGCGACCATCGCCACCAAAAAAACAAACGTTCGTCG

 7710 7720 7730 7740 7750 7760 7770

 AGATTACGCGCAGAAAAAAAGGATCTCAAGAAGATCCTTTGATCTTTTCTACGGGGTCTGACGCTCAGTG

 TCTAATGCGCGTCTTTTTTTCCTAGAGTTCTTCTAGGAAACTAGAAAAGATGCCCCAGACTGCGAGTCAC

 7780 7790 7800 7810 7820 7830 7840

 GAACGAAAACTCACGTTAAGGGATTTTGGTCATGAGATTATCAAAAAGGATCTTCACCTAGATCCTTTTA

 CTTGCTTTTGAGTGCAATTCCCTAAAACCAGTACTCTAATAGTTTTTCCTAGAAGTGGATCTAGGAAAAT

 7850 7860 7870 7880 7890 7900 7910

 AATTAAAAATGAAGTTTTAAATCAATCTAAAGTATATATGAGTAAACTTGGTCTGACAGTTACCAATGCT

 TTAATTTTTACTTCAAAATTTAGTTAGATTTCATATATACTCATTTGAACCAGACTGTCAATGGTTACGA

 7920 7930 7940 7950 7960 7970 7980

 TAATCAGTGAGGCACCTATCTCAGCGATCTGTCTATTTCGTTCATCCATAGTTGCCTGACTCCCCGTCGT

 ATTAGTCACTCCGTGGATAGAGTCGCTAGACAGATAAAGCAAGTAGGTATCAACGGACTGAGGGGCAGCA

 7990 8000 8010 8020 8030 8040 8050

 GTAGATAACTACGATACGGGAGGGCTTACCATCTGGCCCCAGTGCTGCAATGATACCGCGAGACCCACGC

 CATCTATTGATGCTATGCCCTCCCGAATGGTAGACCGGGGTCACGACGTTACTATGGCGCTCTGGGTGCG

 8060 8070 8080 8090 8100 8110 8120

 TCACCGGCTCCAGATTTATCAGCAATAAACCAGCCAGCCGGAAGGGCCGAGCGCAGAAGTGGTCCTGCAA

 AGTGGCCGAGGTCTAAATAGTCGTTATTTGGTCGGTCGGCCTTCCCGGCTCGCGTCTTCACCAGGACGTT

 8130 8140 8150 8160 8170 8180 8190

 CTTTATCCGCCTCCATCCAGTCTATTAATTGTTGCCGGGAAGCTAGAGTAAGTAGTTCGCCAGTTAATAG

 GAAATAGGCGGAGGTAGGTCAGATAATTAACAACGGCCCTTCGATCTCATTCATCAAGCGGTCAATTATC

 8200 8210 8220 8230 8240 8250 8260

 TTTGCGCAACGTTGTTGCCATTGCTACAGGCATCGTGGTGTCACGCTCGTCGTTTGGTATGGCTTCATTC

 AAACGCGTTGCAACAACGGTAACGATGTCCGTAGCACCACAGTGCGAGCAGCAAACCATACCGAAGTAAG

 8270 8280 8290 8300 8310 8320 8330

 AGCTCCGGTTCCCAACGATCAAGGCGAGTTACATGATCCCCCATGTTGTGCAAAAAAGCGGTTAGCTCCT

 TCGAGGCCAAGGGTTGCTAGTTCCGCTCAATGTACTAGGGGGTACAACACGTTTTTTCGCCAATCGAGGA

 8340 8350 8360 8370 8380 8390 8400

 TCGGTCCTCCGATCGTTGTCAGAAGTAAGTTGGCCGCAGTGTTATCACTCATGGTTATGGCAGCACTGCA

 AGCCAGGAGGCTAGCAACAGTCTTCATTCAACCGGCGTCACAATAGTGAGTACCAATACCGTCGTGACGT

 8410 8420 8430 8440 8450 8460 8470

 TAATTCTCTTACTGTCATGCCATCCGTAAGATGCTTTTCTGTGACTGGTGAGTACTCAACCAAGTCATTC

 ATTAAGAGAATGACAGTACGGTAGGCATTCTACGAAAAGACACTGACCACTCATGAGTTGGTTCAGTAAG

 8480 8490 8500 8510 8520 8530 8540

 TGAGAATAGTGTATGCGGCGACCGAGTTGCTCTTGCCCGGCGTCAATACGGGATAATACCGCGCCACATA

 ACTCTTATCACATACGCCGCTGGCTCAACGAGAACGGGCCGCAGTTATGCCCTATTATGGCGCGGTGTAT

 8550 8560 8570 8580 8590 8600 8610

 GCAGAACTTTAAAAGTGCTCATCATTGGAAAACGTTCTTCGGGGCGAAAACTCTCAAGGATCTTACCGCT

 CGTCTTGAAATTTTCACGAGTAGTAACCTTTTGCAAGAAGCCCCGCTTTTGAGAGTTCCTAGAATGGCGA

 8620 8630 8640 8650 8660 8670 8680

 GTTGAGATCCAGTTCGATGTAACCCACTCGTGCACCCAACTGATCTTCAGCATCTTTTACTTTCACCAGC

 CAACTCTAGGTCAAGCTACATTGGGTGAGCACGTGGGTTGACTAGAAGTCGTAGAAAATGAAAGTGGTCG

 8690 8700 8710 8720 8730 8740 8750

 GTTTCTGGGTGAGCAAAAACAGGAAGGCAAAATGCCGCAAAAAAGGGAATAAGGGCGACACGGAAATGTT

 CAAAGACCCACTCGTTTTTGTCCTTCCGTTTTACGGCGTTTTTTCCCTTATTCCCGCTGTGCCTTTACAA

 8760 8770 8780 8790 8800 8810 8820

 GAATACTCATACTCTTCCTTTTTCAATATTATTGAAGCATTTATCAGGGTTATTGTCTCATGAGCGGATA

 CTTATGAGTATGAGAAGGAAAAAGTTATAATAACTTCGTAAATAGTCCCAATAACAGAGTACTCGCCTAT

 8830 8840 8850 8860 8870 8880 8890

 CATATTTGAATGTATTTAGAAAAATAAACAAATAGGGGTTCCGCGCACATTTCCCCGAAAAGTGCCACCT

 GTATAAACTTACATAAATCTTTTTATTTGTTTATCCCCAAGGCGCGTGTAAAGGGGCTTTTCACGGTGGA

 GACGT

 CTGCA